



UNIVERSIDADE FEDERAL DE VIÇOSA
PROGRAMA DE PÓS-GRADUAÇÃO EM GENÉTICA E MELHORAMENTO
FIT 798 – SEMINÁRIO EM GENÉTICA E MELHORAMENTO
PROJETO DE TESE

Prelecionista: **Ciro Maia de Brito**

Orientador: **Prof. José Marcelo Soriano Viana**

Integração de Marcadores Moleculares ao Programa Milho-Pipoca UFV

Estudos sobre diversidade genética e formação de grupos heteróticos de milho-pipoca tropical ainda são reduzidos. Os objetivos desse trabalho foram avaliar a diversidade genética de populações de milho-pipoca e inferir sobre a formação de grupos heteróticos baseado em informações moleculares e fenotípicas. Quarenta e oito linhagens de milho-pipoca derivadas das populações Viçosa e Beija-Flor foram genotipadas com 90 locos microssatélites. Pelas análises de agrupamento e coordenadas principais, as linhagens formaram grupos molecularmente distintos. A análise da estrutura de população também revelou que as linhagens foram agrupadas de acordo com as informações de origem. A população Viçosa apresentou um número médio de 2.99 alelos por loco, variando de 1 a 6, enquanto na população Beija-Flor foi observado 3.46 alelos por loco, variando de 1 a 9. O número de alelos privados foi 73 em Beija-Flor e 31 em Viçosa. A diversidade gênica foi um pouco maior em Beija-Flor (0.46) que em Viçosa (0.41). A análise de variância molecular apresentou maior diversidade dentro das populações (91%). A heterose mínima, máxima e média da produção de grãos dos híbridos de Viçosa e Beija-Flor foram maiores que a heterose dos híbridos intrapopulacionais. Houve um aumento nos efeitos da correlação nos extremos, especialmente para os híbridos de Viçosa e Beija-Flor e híbridos de Viçosa. Podemos considerar, que as duas populações são molecularmente distintas e apresentam uma maior heterose quando cruzadas entre si.

Ciro Maia de Brito
(Prelecionista)

José Marcelo Soriano Viana
(Orientador)